

Neoparamoeba pemaquidensis

海水養殖サケ・マス類のアメーバ性鰓病の原因と考えられたが、病原性は証明されていない。現在アメーバ性鰓病の原因は*N. perurans*と考えられている。

区分	手法名 (文献)	プライマー		反応温度条件	増幅産物 bp	備考	推奨度
		名称	配列(5'-3')				
PCR	(Wong et al 2004)	fNp-Hxe23a1	CAT CTC CTT ACT AGA CTT TCA TG	1stPCR: 95°C10分→(94°C60秒、48°C60秒、68°C1分30秒) × 35サイクル→72°C10分	1400	1st PCRはfNp-Hxe23a1/PRIMER Bで行い、1stPCR産物(1.4kb)をテンプレートとし、nested PCRを実施し、1250bpを得る。1stとnested のプログラムの違いはアニーリング温度である。	-
		18Sprimer B	CCC GGG ATC CAA GCT TGA TCC TTC TGC AGG TTC ACC TAC				
		fNp-Hxe23b1	GTG AGT GAT GAG TAG ACC TAC TGG	nested PCR: 95°C10分→(94°C60秒、58°C60秒、68°C1分30秒) × 35サイクル→72°C10分	1250		
		rNp-Hx49	CAC AAC AAA CTC GCT CTA CCC				

文献

Wong, F.Y.K., J. Carson and N.G. Elliott (2004). 18S ribosomal DNA-based PCR identification of *Neoparamoeba pemaquidensis*, the agent of amoebic gill disease in sea-farmed salmonids. Dis Aquat Org 60, 65-76.