

*Haliphthoros milfordensis* ハリフトロス症

(ウシエビ) クルマエビでは報告ない? Genbankに登録されているクルマエビのハリフトロスはこの種とは異なると思われる。  
特異的PCRはない

区分	手法名 (文献)	プライマー		反応温度条件	増幅産物 bp	備考	推奨度
		名称	配列 (5'-3')				
PCR	ユニバーサル (Nakayama et al. 1996)	SR1	TACCTGGTTGATCCTGCCAG	95°C2分→(94°C30秒、55°C30秒、72°C2分)×30サイクル→72°C5分	1782	シーケンスが必要。	—
		SR12	CCTTCGCAGGTTACCTAC				
	ユニバーサル (sekimoto et al. 2007)	LSU-0021F	ATTACCCGCTGAACTTAAGC	95°C2分→(94°C30秒、63°C30秒、72°C60秒)×30サイクル→72°C5分	1063	シーケンスが必要。	—
		LSU-1170R	GCTATCCTGAGGAAATTCGG				

文献

特異的検出法は未開発。

Nakayama T, Watanabe S, Mitsui K, Uchida H, Inouye I (1996) The phylogenetic relationship between the Chlamydomonadales and Chlorococcales inferred from 18S rDNA sequence data. *Phycol Res* 44:47–55S. Sekimoto, K. Hatai, D. Honda. Molecular phylogeny of an unidentified Haliphthoros-like marine oomycete and Haliphthoros milfordensis inferred from nuclear-encoded small- and large-subunit rRNA genes and mitochondrial-encoded cox2 gene. *Mycoscience*, 48 (2007), pp. 212-221

特異プライマーではない