

Enteromyxum fugu

区分	手法名 (文献)	プライマー		反応温度条件	増幅産物 bp	備考	推奨度
		名称	配列 (5'-3')				
PCR	(Yanagida et al 2005)	EF-F	GGA GCA GTT CCA ATG GGA TT	95°C10分→(95°C30秒、55°C30秒、74°C30秒) ×35サイクル→74°C7分	873	SSU rRNA geneが標的。Takara Ex Taq HS を使用。 <i>Kudoa shiomitsui</i> , <i>K. amamiensis</i> , <i>K. lateolabracis</i> <i>Henneguya lateolabracis</i> , <i>Henneguya sp.</i> , <i>Myxobolus acanthogobii</i> , <i>Enteromyxum leei</i> , <i>Leptotheca fugu</i> の遺伝子を検出しないことを確認。	☆☆
		EF-R	AGA ACC TAC AAT TGG TCT GT				

文献

Yanagida, Tetsuya & Freeman, Mark & Nomura, Yoshinori & Takami, Ikuo & Sugihara, Yukitaka & Yokoyama, Hiroshi & Ogawa, Kazuo. (2005). Development of a PCR-based Method for the Detection of Enteric Myxozoans Causing the Emaciation Disease of Cultured Tiger Puffer. *Fish Pathology*. 40. 23-28. 10.3147/jsfp.40.23.